

Replacement Sheet for Appendix A

REPLACEMENT SHEET

Appendix A (SEQ ID NO:43)

BngI restriction endonuclease (RM fusion) coding sequence
3108 nt (recognition sequence: GTGCAG)

```
ATGAATAGAG TAGAATCTAA AAAAAAATTA GAACAATTAG TTCAACAGTT CGAGAAGTAT
GAAAGTACAT ATAGCGCTTC GGATTATAAA GAGGCAACTT TAAGATCTAG TTTTITAGAT
CCCTTTTTTG AACTTTTTTG ATGCGAAATG CCGCCCTGAAA GAATAACTAA TCCAGCAGAC
TTAGAAGTGA TTATAGAAGA AATPTTAGAA ACGGAAAAAT CTACTAAGTA TATAGATTAT
GTTTTTAAAA TTAATAGAAC GACTCAGTTT TTGCTAGAA GCTAAAAAGCC AGCTGAAGST
CTTTCTAAAA AAGATCATAT TTTTCAGGCT AAAAGTTATG CATTTACTAC GCAGATTTCA
TTTGTCATTT TAACAAATTT TAAAGAGTTT AGATTTTATG ACGTTTCAAC TGAACCTTTA
CACAAATCAAC CCGATACAGA TAAAGTGGAA GAAATATTGT TTGATTATAA AGAATATGTT
CAAAACCTTG ATAAGTTATG GGAATTATTC AGCAGAGAAG CAGTTGCTAA CAGAAGTTTA
GCCAAGTTTT ATGCTAAAAAG AAGAAATATA GTAGATAGTC CAGATTTAAT TTTTAAACTT
AATATATCAA TTGATAAAGG TGCATCATTA CTGGATATAT CTTTCTTAAA AAATTTGAAA
ATATCGAGAA AATCATTAGC TGAAAAATATC TTTAATAATA ATTCACCTAA TGTTAACSTA
ATTAATGAAG TAGCTCAGAG AATATTAGAT AGACTGATAT TTATCCGTAT CATTGAAGAC
AGAAATATTG AATCTAAAGA GTTTTTAAAA GAAATTTGTA AATGCAACCA ACAAGATAAT
TCGATTTCAG TGAAAAATGA ACTAGATAAA CTATGTATTG AATTAATAAA GAAATTTAAT
GGGTTAGTTT TCCATGACCA CACATTTGTT AACGAAGCGT TGATAGATAA CGAAATTTTA
ATAGTTATTA TTGACAATTT ATATTATCCA AAGTCTCCTT ATAACCTTAG ATTAATTAGG
CCAGAAATTT TAGGACCAAT ATTGCAACAA TTTTTCGGTG AAAAAATTGA AATAATCGAT
CGAAAAATAG CGTTAGGATT AAAAGATATT AATRAAAAAAT CAGGAGGTGT TTATTTATCA
CCTTCATATA TAGTTGAAAA AATAGTAGAA AATACATTAT CCAAAAAATT ACATAATGAT
ATTACTATTG AAAATTTAGA ACAGATAAAA ATAGCTGACA TAGCTTGTTG TTCAGGAAGC
TTTTTAATTT CACCATATAA ATATTTAATT GATRAATTTT AATATATTTA TTCCAAATGT
TCGGAAGCGG APTTTCAAAAC ATTAATTAGT AATAACTTAG TATTTATAGA CAATGCTAAA
TTAATGTTAA CAATGCAACA TAAAAAGCGG ATACTTCAGC AAAATTTTTT TGGGGTAGAT
ATAGATTCAC AAGCAATTCG GTTAGCGAAA TTAAGTCTTT ATATAACCAT GTTAGAAGAA
GGATACAGAG AAGGTACATT AAGACCTATA TTACCAGACT TAAATGATAA TATTAACAT
GGTAACCTAA TAATAGATAA TGAATTTTTA TTTGAAGATG ATATAAATTA CGATATTGAT
GCAACATFAC CATTCGATTC GGAATATGCT TTTCTGATA TTATAGATAA CCGAGGTTTT
GATGTAATAT TAGCCAATCC ACCCTATATA AGAATTCAAA TTTTTCGAGA GTTATATGGA
AAAGATGTAG TTAATTATTT GAAAAAATAA TACGTTTCTG CCGAAAAATT TAACCTTGAT
ATATATGTCC TTTTTATAGA AAAAGCATTG TCACTCTTGA ATGACCAGGG GATATTTGGA
TATATTTGGA TGAACAAATT TTTTACTACA CAATATGGAG AAAAAATCCG CAGTTTAATA
ACTTCACAAA AATTTATATA TGAATTCATT GATTTTGGAA TTAATGAAAT ATTTAATTAAT
GCTACTACTT ATACTTTGAT ATTAATTTTA GACAAAATA ATCCAGATGA AATAATTAAT
GAAAGAGTGA TTGATTTAAA TACTTGGAAG GCTGGAGAAT CTTCAGATCG GAAAGTTGGA
GATCATACCG AATTCACATG TACTCCTTGG TATTTATCAA GCAATACTGA TGACAGAAAT
TACAAATPCT TTGAAGAAAA TATGGTTTTT CTTGAAACCA TTAGTGATAG GGTTTTTGTT
GTTGTTTCAG CAGACTGTGA TCCAGTATAT ATTTTAGAAG AAGTTTATGA AGAAGAAAAAT
TACTTTATAT GTAAAGTCAGA ATATACTACT GAAATACACA AGTTTGAATA AGATCATTTA
AAACCATTTTT TAAAAAGGTC TCTAGATATA AAGAAATATA CTTTTTCAAA TTTAATTAAG
TGGTTACTTT TCCCTTATAC CAATTCCGAA AATACTTCTG ATTTAATTCC CGAAACAACCT
TACAAACAGT ATTTCCACAG ACATGGAAG TACTTAGATT CTTGTAAGA AAGATTTAGCA
AAAAGAAAAA GTATPGAAAG AGAATTGGAT ATTAATCCGA ATTATAATGA GTGATATAAA
TATATTTTACA AAAAGAAATCA CACGAGGATG GACCAATTEA AATAGTATTT TCCTGCGATA
TCCGAAGGTA GTAGCTTTTG TTAGGATTCG GATGGAGAT ACTATTTTGT AGGAAGTTGGT
GCTGGAGGCG GTGGTGGAGG CCAATAGTC TTGCCAGATC AATCTGATTA TAAATATTTA
TCCTTACTTG GAATTTCTAA TTGAGAAGTA GTTTCTATAT AAATTGTAG AAGAGGTTCA
AAACATAAAG GTTCTTATTA TGGTGTAGAT AAAAGACAGAA TAGAAAACTT ATATGTGCCA
TTGATTTAATG AGGATAATTA AAATTTATTT AGTAATATTT CAAAAATGCT ACCTCAAAATP
CTTGATGCGT TTCAAAAAAT GCATCAAGCA GGGACAACGG ATGTTGTTAA AGAACAACTT
CAACAAAGAA TAAAAATGCT TAATGCTAGA ATAAATGAGC TGGTATATAG ACTGTATTAAT
TTACCACTAG AATATAAAGA ATATATTAAA AATGCCCTAG AAAATTTAA
```